

Questo sito si avvale di cookie. Chiudendo questo banner o proseguendo la navigazione ne acconsenti l'utilizzo. Per saperne di più o negarne il consenso, consulta la [cookie policy](#).

SPESA SPRINT *Il supermercato online!*

FERRARELLE ACQUA MINERALE N°1 **0,37€**

SAMMONTANA BARATTOLENO vari gusti g 500 **1,99€ al pezzo**

ICHNUSA BIRRA cl 33x3 **1,99€**

PONTI PEPPERLIZIA per riso/pasta g 350 **1,49€**



#gonews.it®

Firenze

martedì 19 maggio 2020 - 15:18



- TOSCANA HOME
- EMPOLESE VALDELSA
- ZONA DEL CUOIO
- FIRENZE E PROVINCIA**
- CHIANTI VALDELSA
- PONTERERA VOLTERRA
- PISA CASCINA
- PRATO PISTOIA
- SIENA AREZZO
- LUCCA VERSILIA
- LIVORNO GROSSETO



HOME → FIRENZE E PROVINCIA →

<< INDIETRO

ENHANCED BY Google



PUNTO ORO

Segui la rotta giusta!
Vieni a trovarci!

Empoli
via Masini 19
0571 77931

gonews.tv Photogallery



[Firenze] Rampe del Poggi, un video a un anno dal restauro

Immunità a Covid-19: cellule umane 'hackerano' il Sars-CoV-2 grazie all'editing dell'RNA

19 Maggio 2020 15:00 Attualità Firenze

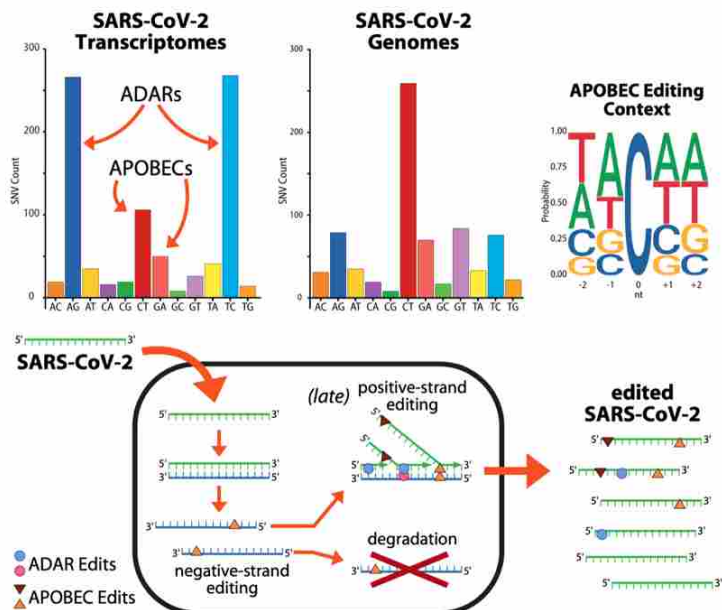
- Facebook
- 1
- Twitter
- WhatsApp
- E-mail

Mi piace

Per la tua Pubblicità su:

#gonews.it

0571 700931
commerciale@xmediagroup.it



Nei grafici superiori, tra le mutazioni nei trascrittomi e nei genomi virali, sono evidenziate le mutazioni dovute agli ADAR e agli APOBEC, ed il particolare tipo di editing dovuto agli APOBEC. Nello schema inferiore è descritto un modello di come potrebbero agire gli ADAR e gli APOBEC durante la replicazione del virus.

Uno studio dell'Istituto di fisiologia clinica del [Cnr](#) e dell'Ispro, in collaborazione con l'Università di Firenze, pubblicato su *Science Advances*, ha messo in evidenza l'attivazione di uno dei meccanismi dell'immunità innata contro il virus

Publicato su *Science Advances* uno studio condotto dal gruppo coordinato da Silvo Conticello, dell'Istituto di fisiologia clinica del [Consiglio nazionale delle ricerche](#) di Pisa ([Cnr-Irc](#)) e dell'Istituto per lo studio, la prevenzione e la rete oncologica (Ispro), in collaborazione con Giorgio Mattiuz dell'Università di Firenze, mostra come i nostri processi cellulari siano in grado di "hackerare" il codice genetico del Sars-CoV-2 mediante un processo noto come "editing" dell'RNA.

"Di quest'ultimo sono responsabili gli ADAR e gli APOBEC, un gruppo di enzimi con ruoli fisiologici che spaziano dai processi dell'immunità all'aumento dell'eterogeneità all'interno delle cellule", spiega Silvo Conticello. "Gli ADAR e gli APOBEC convertono due dei quattro componenti dell'RNA - le adenine e le citosine - in inosine e uracili, causando alterazioni genetiche. Purtroppo, le mutazioni indotte non sempre riescono a danneggiare il genoma virale e possono anzi contribuire all'evoluzione del virus. I fattori fisiologici che influenzano l'efficacia dell'editing possono rappresentare una delle variabili che determinano la risposta individuale al virus e il loro studio potrebbe fornire indicazioni su fattori di rischio e prognostici".

Nello studio, il sequenziamento dell'RNA del virus, ossia la tecnica usata per calcolare la sequenza dei genomi virali, è stato sfruttato per la prima volta per identificare mutazioni a bassa frequenza, operate dagli enzimi per



Renault advertisement with 'RENAULT RESTART' and 'Ripartiamo da te' slogan. It includes the Renault logo and the tagline 'Passion for life'. A yellow button says 'PRENOTA ORA >'. Text below reads: 'E con VENDITA PRIVATA RENAULT, prenota un appuntamento in totale sicurezza. Potresti scoprire ulteriori occasioni esclusive.'

Il sondaggio della settimana

Test sierologico, lo hai fatto?

Sì

No

Vota

tentare di attuare il meccanismo di difesa. "Anche se il solo editing dell'RNA non è in grado di contrastare l'infezione, averlo individuato mette in evidenza il tallone d'Achille del virus. E lo sviluppo di strumenti in grado di migliorare l'efficienza di quel processo potrebbe gettare le basi per terapie precoci, con un approccio valido non solo contro il Sars-CoV-2, ma anche contro altri tipi di virus", conclude Conticello. "Inoltre, nel breve termine, l'analisi delle mutazioni inserite dagli ADAR e dagli APOBEC può aiutarci a individuare regioni del genoma virale importanti per il suo ciclo vitale: quest'informazione può aiutarci a sviluppare terapie mirate per bloccare la replicazione del virus all'interno della cellula".

Fonte: Università di Firenze - Ufficio Stampa

Tutte le notizie di Firenze

<< Indietro

PUNTO ORO
Segui la rotta giusta!
Vieni a trovarci!

Empoli
via Masini 19
0571 77931

Taboola Feed

pubblicità



Ricordi Kate Jackson? Ecco, cerca di non sorridere quando la rivedrai ora

Payday Ville | Sponsorizzato



Questa signora su una sedia a rotelle non poteva salire l...

Consigli e Trucchi | Sponsorizzato



Tariffe energia elettrica, quale conviene sottoscrivere?

Tariffe Energia | Ricerca annunci | Sponsorizzato

Ascolta la Radio degli Azzurri