



i veri sapori della Sicilia

alla comodità di un click!

maggio 19, 2020



- Home, Vivenna, Enna e Provincia, Enna Politica, Enna Sport, Eventi Sicilia, Sicilia Province, Gastronomia Sicilia, ViviSalute, Almanacco

Ultime Notizie possibile e si concluda" >> Accordo nel centrodestra, il 2 giugno manifestazione unitaria >> Al via il terzo mega 18:41:29

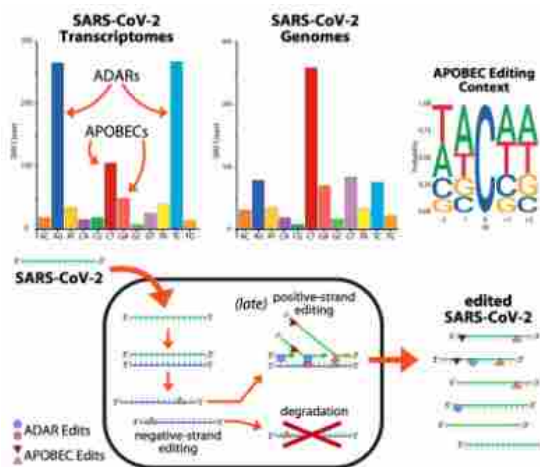
HOME >> SICILIA LIVE >> VIVINSALUTE >> CELLULE UMANE 'HACKERANO' IL SARS-COV-2

Cellule umane 'hackerano' il Sars-CoV-2

Postato da: redazione il: maggio 19, 2020 In: VivinSalute



Publicato su Science Advances uno studio condotto dal gruppo coordinato da Silvo Conticello, dell'Istituto di fisiologia clinica del Consiglio nazionale delle ricerche di Pisa (Cnr-Ifc) e dell'Istituto per lo studio, la prevenzione e la rete oncologica (Ispro), in collaborazione con Giorgio Mattiuz dell'Università di Firenze, mostra come i nostri processi cellulari siano in grado di "hackerare" il codice genetico del Sars-CoV-2 mediante un processo noto come "editing" dell'RNA. "Di quest'ultimo sono responsabili gli ADAR e gli APOBEC, un gruppo di enzimi con ruoli



CODISRL.IT



Premier League, sei positivi al nuovo Coronavirus su 748 test maggio 19, 2020



Ritaglio stampa ad uso esclusivo del destinatario, non riproducibile.

fisiologici che spaziano dai processi dell'immunità all'aumento dell'eterogeneità all'interno delle cellule", spiega Silvo Conticello. "Gli ADAR e gli APOBEC convertono due dei quattro componenti dell'RNA - le adenine e le citosine - in inosine e uracili, causando alterazioni genetiche. Purtroppo, le mutazioni indotte non sempre riescono a danneggiare il genoma virale e possono anzi contribuire all'evoluzione del virus. I fattori fisiologici che influenzano l'efficacia dell'editing possono rappresentare una delle variabili che determinano la risposta individuale al virus e il loro studio potrebbe fornire indicazioni su fattori di rischio e prognostici".

Nello studio, il sequenziamento dell'RNA del virus, ossia la tecnica usata per calcolare la sequenza dei genomi virali, è stato sfruttato per la prima volta per identificare mutazioni a bassa frequenza, operate dagli enzimi per tentare di attuare il meccanismo di difesa. "Anche se il solo editing dell'RNA non è in grado di contrastare l'infezione, averlo individuato mette in evidenza il tallone d'Achille del virus. E lo sviluppo di strumenti in grado di migliorare l'efficienza di quel processo potrebbe gettare le basi per terapie precoci, con un approccio valido non solo contro il Sars-CoV-2, ma anche contro altri tipi di virus", conclude Conticello. "Inoltre, nel breve termine, l'analisi delle mutazioni inserite dagli ADAR e dagli APOBEC può aiutarci a individuare regioni del genoma virale importanti per il suo ciclo vitale: quest'informazione può aiutarci a sviluppare terapie mirate per bloccare la replicazione del virus all'interno della cellula".

Al via il terzo megalotto della Statale Jonica

maggio 19, 2020

SICILIAOUTLETVILLAGE.COM



SCOPRI L'OFFERTA FORMATIVA PER IL NUOVO ANNO SCOLASTICO - EUROFORMWEB.IT

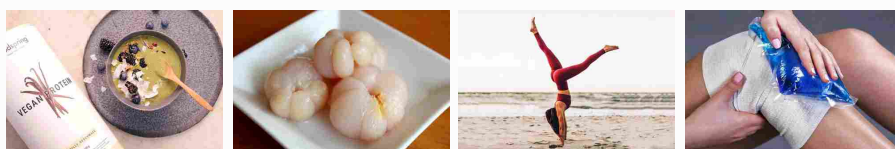


BARBAGALLOGIOIELLI.IT



 Share 0  Tweet  Share 0  Share  Share

NEWS CORRELATE



Una proteina ben Fate questo prima Attenzione! Ecco Questa cosa

Ritaglio stampa ad uso esclusivo del destinatario, non riproducibile.